

Opis przedmiotu zamówienia

Część 1

1.1 Przedmiot zamówienia:

Izolacja RNA z 45 próbek (krew pełna ludzka, próbki PAXgene), z redukcją globin oraz sekwencjonowanie RNA (po wzbogaceniu poliA) przy użyciu sekwenatora Illumina NovaSeq, odczyty typu „paired-end”, długości 150 bp.

Na próbkę ~9 Gb, 30 milionów odczytów („paired-end”), demultipleksowanie.

Bez analizy danych.

1.2 Ilość próbek: 45

1.3 Transport:

Zamawiający dostarczy próbki na własny koszt w ciągu miesiąca od zawarcia umowy. Wykonawca odeśle wyniki badań w formie elektronicznej w ciągu 6-8 tygodni od otrzymania próbek.

1.4 Wyniki:

Wyniki zostaną dostarczone w postaci:

Surowych danych w formacie pliku FastQ.

Zestawy danych z sekwenatora Illumina dla każdej próbki, mniejsza ilość odczytów (naturalna zmienność) może dotyczyć nie więcej niż 5% próbek, które przeszły wejściową kontrolę jakości. Co najmniej 80% par zasad w gwarantowanym zestawie danych musi mieć wskaźnik jakości Q-score \geq 30.

Wyniki będą zawierać dane wszystkich próbek.

Wyniki będą zawierać szczegółowy raport z projektu.

Wyniki zostaną udostępnione drogą elektroniczną poprzez bezpieczny portal klienta z uwierzytelnianiem dwuetapowym. Dane z portalu należy pobrać w ciągu 6 tygodni od udostępnienia.

W przypadku konieczności ponownego umieszczenia danych w portalu po tym okresie zostaną naliczone dodatkowe koszty.

Na życzenie Zamawiającego wyniki mogą zostać dostarczone na zewnętrznym dysku twardym za dodatkową opłatą.

Warunki płatności:

Zamawiający zgadza się na przedpłatę w wysokości maksymalnie 60% wartości zamówienia, a płatność pozostałych 40% nastąpi w ciągu 14 dni od otrzymania wyników badań.

Część 2

2.1 Przedmiot zamówienia:

Izolacja RNA z 45 próbek (ludzkie komórki T CD4+ zawieszane w RNAlater/stayRNA), oraz sekwencjonowanie RNA (po wzbogaceniu poliA) przy użyciu sekwenatora Illumina NovaSeq, odczyty typu „paired-end”, 150 bp.

Na próbkę ~30 Gb, 100 milionów odczytów („paired-end”), demultipleksowanie.

PS. Możliwość przejścia na inny tryb sekwencjonowania w razie niedostatecznej ilości RNA.

Bez analizy danych

2.2 Ilość próbek: 45

2.3 Transport:

Zamawiający dostarczy próbki na własny koszt w ciągu miesiąca od zawarcia umowy. Wykonawca odeśle wyniki badań w formie elektronicznej w ciągu 6-8 tygodni od otrzymania próbek.

2.4 Wyniki:

Wyniki zostaną dostarczone w postaci:

Surowych danych w formacie pliku FastQ.

Zestawy danych z sekwenatora Illumina dla każdej próbki, mniejsza ilość odczytów (naturalna zmienność) może dotyczyć nie więcej niż 5% próbek, które przeszły wejściową kontrolę jakości. Co najmniej 80% par zasad w gwarantowanym zestawie danych musi mieć wskaźnik jakości Q-score \geq 30.

Wyniki będą zawierać dane wszystkich próbek.

Wyniki będą zawierać szczegółowy raport z projektu.

Wyniki zostaną udostępnione drogą elektroniczną poprzez bezpieczny portal klienta z uwierzytelnianiem dwuetapowym. Dane z portalu należy pobrać w ciągu 6 tygodni od udostępnienia.

W przypadku konieczności ponownego umieszczenia danych w portalu po tym okresie zostaną naliczone dodatkowe koszty.

Na życzenie Zamawiającego wyniki mogą zostać dostarczone na zewnętrznym dysku twardym za dodatkową opłatą.

Warunki płatności:

Zamawiający zgadza się na przedpłatę w wysokości maksymalnie 60% wartości zamówienia, a płatność pozostałych 40% nastąpi w ciągu 14 dni od otrzymania wyników badań.